

Fig. 1A

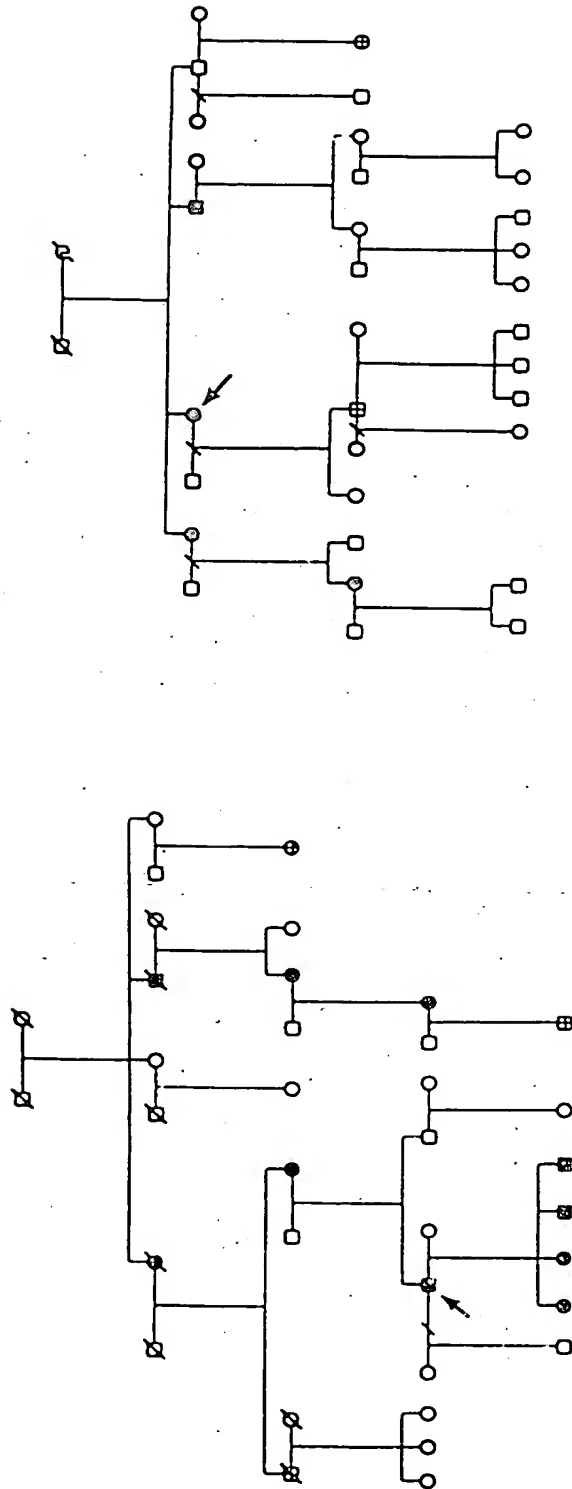


Fig. 1C

Fig. 1B

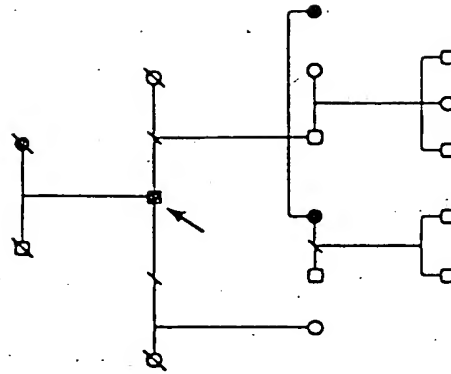


Fig. 1E

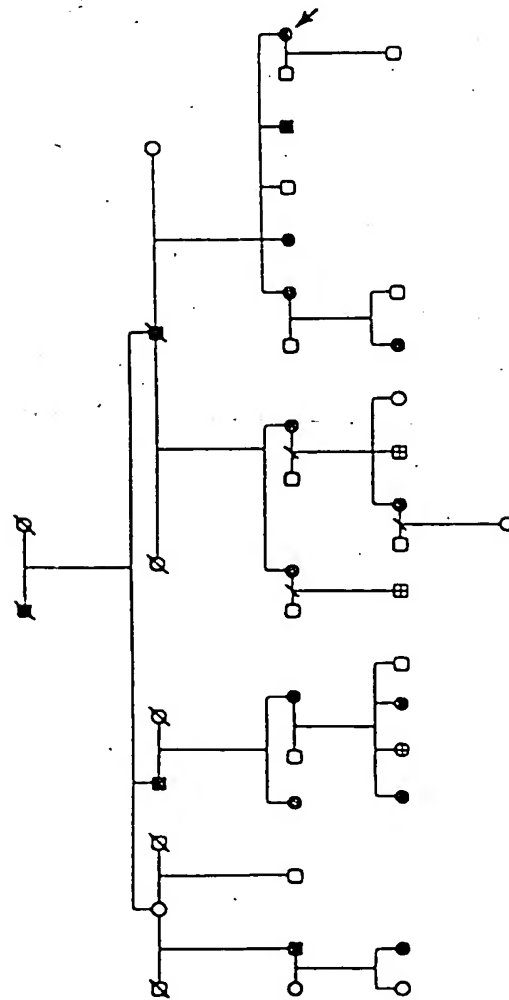


Fig. 1D

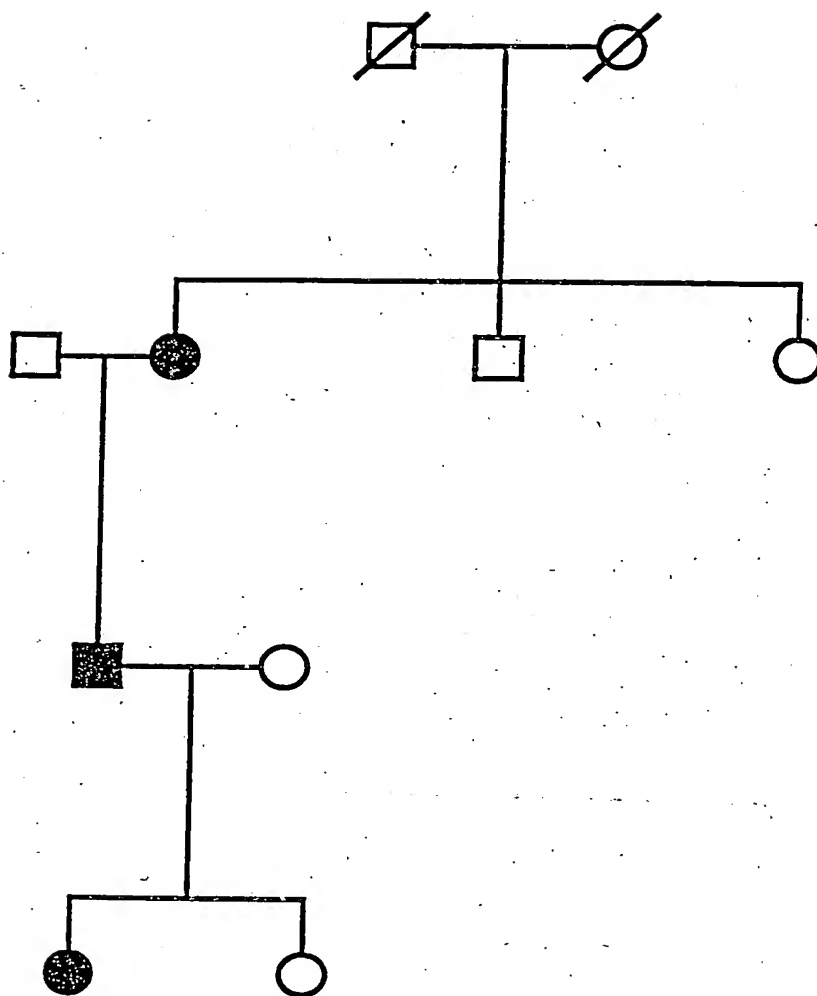


Fig. 1F

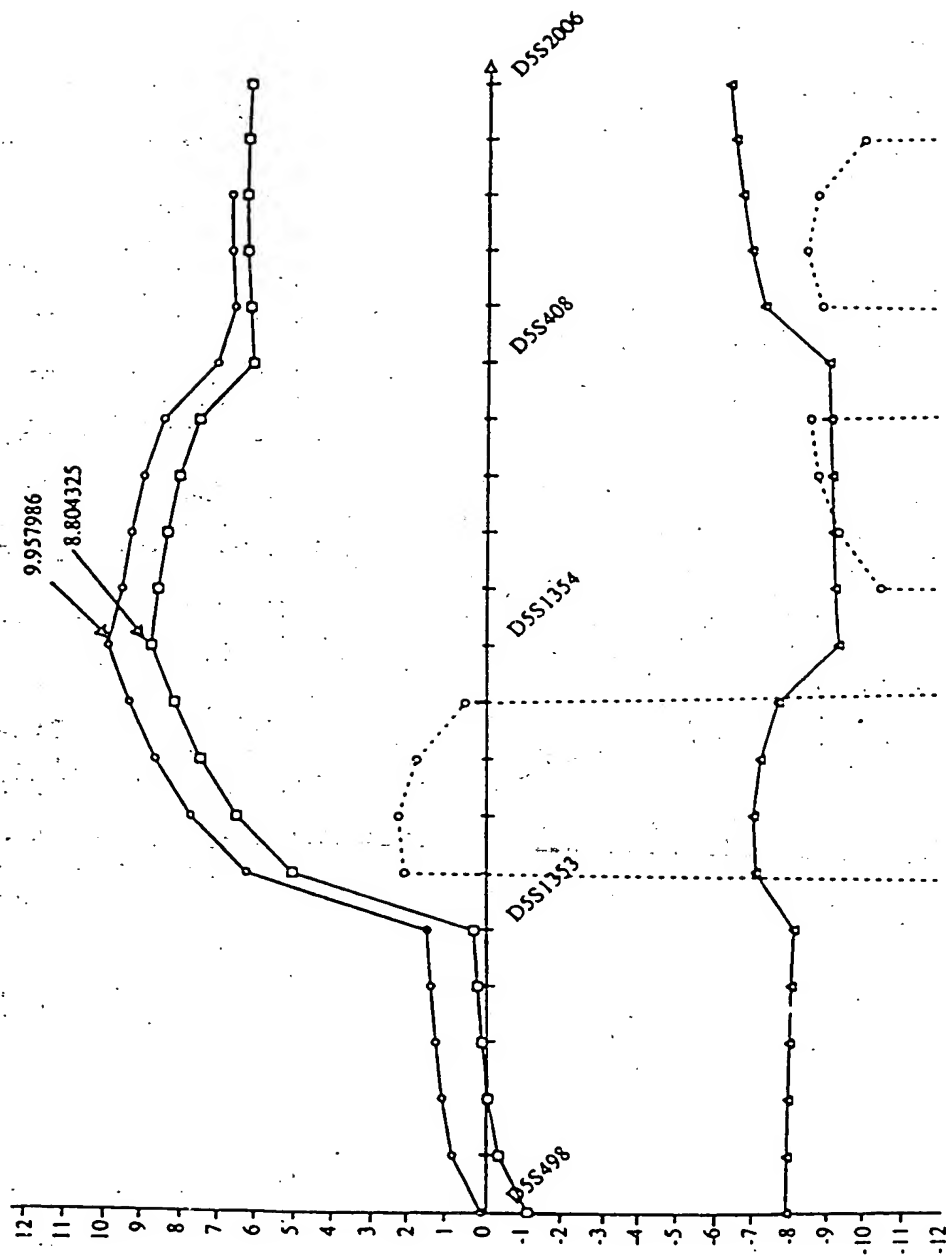


Fig. 2

FIG. 3A

[illegible]

H 701 VAGAHAPSIVWYKDERLLEEKSGVDLADSNQKLSIQRVREEDAGRYLCSV 750  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ..||: ||||| : ||||| ||||| ||||| |||||  
 M 701 VAGAHVPSIVWYKDERLLEKESGIDLADSNQRLSIQRVREEDAGRYLCSV 750  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| : ||||| ||||| ||||| ||||| |||||  
 H 751 CNAKGCVNSSASVAVEGSEDKGSMEIVILVGTGVIAVFFWVLLLLLIFCNM 800  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| : ||||| ||||| ||||| |||||  
 M 751 CNAKGCVNSSASVAVEGSEDKGSMEIVILIGTGVIAVFFWVLLLLLIFCNM 800  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| : ||||| ||||| ||||| |||||  
 H 801 RRPAAHADIKTGYLSIIMDPGEVPLEEQCEYLSYDASQWEFFPRERLHLGRV 850  
 : ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||  
 M 801 KRPAHADIKTGYLSIIMDPGEVPLEEQCEYLSYDASQWEFFPRERLHLGRV 850  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||  
 H 851 LGYGAFGKVVVEASAFGIHKGSSCDTVAVKMLKEGATASEHRALMSELKIL 900  
 ||: ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||  
 M 851 LGHGAFGKVVVEASAFGINKGSSCDTVAVKMLKEGATASEHRALMSELKIL 900  
 G857R  
 H 901 IHIGNHLNVVNLLGACTKPQGPLMVIVEFCKYGNLSNFLRAKRDAFSPCA 950  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||  
 M 901 IHIGNHLNVVNLLGACTKPNGPLMVIVEFCKYGNLSNFLRVKRDFTFNPYA 950  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||  
 H 951 EKSPEQGRFRAMVELARLDRRRPGSSDRVLFARFSKTEGGARRASPDQE 1000  
 ||||| ||||| ||||| ||||| : ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||  
 M 951 EKSPEQRRRFRAMVEGAKADRRRPGSSDRALFTRFLMGKGSARRAPLVQE 1000  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||  
 H 1001 AEDLWLSPLTMEDLVCYSFQVARGMEFLASRKCIHRDLAARNILLSESDV 1050  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| :  
 M 1001 AEDLWLSPLTMEDLVCYSFQVARGMEFLASRKCIHRDLAARNILLSESDI 1050  
 R1041P D1049N  
 L1044P  
 H 1051 VKICDFGLARDIYKDPDYVRKGSARLPLKWMAPESIFDKVYTTQSDVWSF 1100  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||  
 M 1051 VKICDFGLARDIYKDPDYVRKGSARLPLKWMAPESIFDKVYTTQSDVWSF 1100  
 I1053N (Chy mouse mutation)  
 H 1101 GVLLWEIFSLGASPYPGVQINEEFCQRLRDGTRMRAPELATPAIRRIMLN 1150  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||  
 M 1101 GVLLWEIFSLGASPYPGVQINEEFCQRLKDGTRMRAPELATPAIRHIMQS 1150  
 P1114L  
 H 1151 CWSGDPKARPAFSELVEILGDLLQGRGLQEEEEVCMAPRSSQSSEEGSFS 1200  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||  
 M 1151 CWSGDPKARPAFSDLVEILGDLLQGGWQEEEEERMAHSSQSSEEDGFM 1200  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||  
 H 1201 QVSTMALHIAQADAEDSPPSLQRHSLAARYYNWVSFPGCLARGAETRGS 1250  
 ||||| : ||||| : ||||| : ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||  
 M 1201 QASTTALHITEADADDSPPSMHCHSLAARYYNVCVSFPGRLARGTKTPGSS 1250  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||  
 H 1251 RMKTFEFPMTPTTTYKGSVDNQTDSGMVLASEEFEEQIESRHRQESGF 1297  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||  
 M 1251 RMKTFEELPMTPTTTYKASMDNQTDSGMVLASEEFEELESRHRPEGSF 1297  
 ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| ||||| |||||

FIG. 3B